

Zas, stále ich to baví?!

- editor007 | 8. června 2024

USA: Mám na mysli vypúšťanie potenciálne smrteľných vírusov a strašenie pandémiami, ktoré môžu ukončiť ľudskú civilizáciu. Nedávno Dr. Fauci priznal, že americká vláda financovala výskum vírusov resp. biologických zbraní vo Wuhan t.j. z laboratória odkiaľ covid vírus vypustili.

To, že Američania robili výskum biologických zbraní na Ukrajine je už verejné tajomstvo, a je verejným tajomstvom aj to, že Dr. Fauci na to tiež dohliadal, a boli to osoby ako Barack Obama (2005-medzivládna dohoda s Ukrajinou o vývoji biologických zbraní-oficiálne je to ochrana proti nim), Joe Biden (koordinoval činnosť vedúcich programov), Hilary Clinton (presadzovala legislatívu o dvojitoť využití programov a stratégiu na boja proti použitiu biologických zbraní) a George Soros (hlavný sponzor vojenského výskumu a lobista pre Big Pharma), ktoré podporovali ho v tejto činnosti:



Prečo to spomínam?

Nuž niekto vypustil ďalší vírus z laboratória, konkrétne podľa publikovaného výskumu, ktorý robil Peter A. McCullough a spol. posledný vírus vtácej chrípky je z laboratória, a tvrdia to na základe týchto znakov:

1. Zvýšená prenosnosť vedúca k výrazne rýchlejšiemu medzikontinentálnemu šíreniu.
2. Zvýšená perzistencia spôsobujúca netypické ohniská počas letných období.
3. Zvýšená virulencia pre domestikované aj voľne žijúce vtáky.
4. Zvýšený rozsah hostiteľov vrátane rôznych druhov cicavcov.

Skratka po moru ošípaných z biologických laboratórií na Ukrajine budeme mať vtáčiu chrípku, ktorá bude decimovať divoké a domestikované vtáctvo a bude predstavovať nebezpečenstvo pre ošípané, hovädzí dobytok a pre človeka. Aspoň to budú tvrdiť médiá, a môžeme brať jed na to, že za týmto sú tiež tie mená, ktoré spískali covid a biologické zbrane na Ukrajine.

Proximal Origin of Epidemic Highly Pathogenic Avian Influenza H5N1 Clade 2.3.4.4b and Spread by Migratory Waterfowl

Nicolas Hulscher *, John Leake, Peter A. McCullough
 McCullough Foundation, Dallas, TX

Genotype B1.1 and B1.2

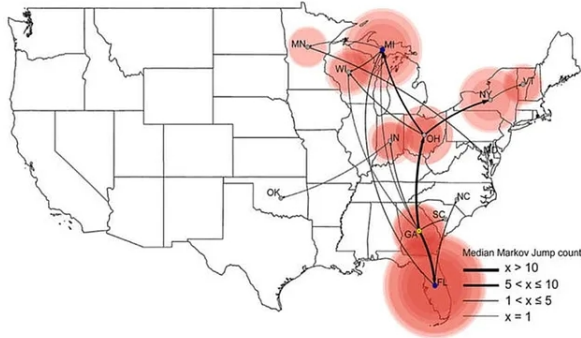


Figure 1. Spatial diffusion of US H5N1 clade 2.3.4.4b genotype B1.1 and B1.2. Arrows indicate the direction of virus transition as estimated by a Bayesian stochastic search variable selection. The thickness of arrows represents the median Markov jump count/s for all the transitions between geographical location states along phylogenetic branches. The size and intensity of the red circles is proportional to the frequency of detections and number of genotypes found. The temporal formation and extinction of the red circles were superimposed during the surveillance time. The LMRCA (yellow dots) or the location (blue dots) represent the first or second highest mean Markov rewards. *Figure and legend adapted from Youk et al [18]. Permission to use this figure has been granted in accordance with the open access Creative Commons CC BY 4.0 license.

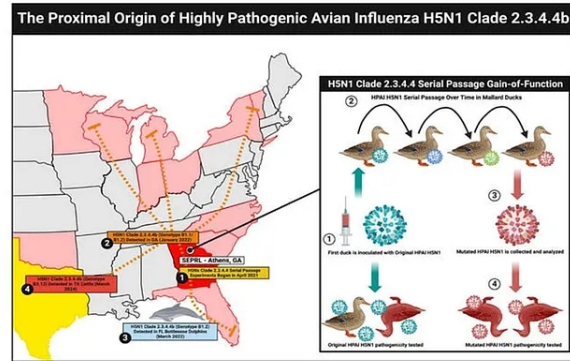


Figure 2. The Proximal Origin of Highly Pathogenic Avian Influenza H5N1 Clade 2.3.4.4b. The left side of the figure depicts H5Nx Clade 2.3.4.4 serial passage experiments at SEPRL (1) resulting in the detection of H5N1 clade 2.3.4.4b genotype B1.1/B1.2 in Georgia (2), which then spread throughout the U.S. via mallard ducks (orange dotted lines). Light red shaded states indicate genotype B1 spread as estimated by Youk et al [18]. A few months later, genotype B1.2 was detected in bottlenose dolphins in Florida (3). After several more mutations, H5N1 clade 2.3.4.4b (genotype 3.13b) was detected in Texas cattle for the first time in history (4). The right side of the figure depicts the serial passage gain-of-function experiments conducted with H5N1 clade 2.3.4.4 in mallard ducks. Initially, natural H5N1 clade 2.3.4.4 strains are injected into ducks and assessed for pathogenicity (1). The virus is then serially passed from one duck to another to induce mutations (2). After multiple passages, the mutated H5N1 clade 2.3.4.4 strains are collected (3) and subsequently tested for pathogenicity (4). Abbreviations: SEPRL: USDA Southeast Poultry Research Laboratory, GA; Georgia, TX: Texas, FL: Florida. *Created with BioRender.com.

AUTOR: Oracle 911

ZDROJ: Blog oracle911